

がんメタボローム研究推進支援事業 RNA-sequence 解析委託 業務内容

	工程	数量
1	RNA 抽出	8
2	RNA-seq	8
3	データ解析	8

【訂正】がんメタボローム研究推進支援事業 RNA-sequence 解析委託 仕様書

1. サンプル

- 1.1. サンプル ヒト由来悪性胸膜中皮腫細胞株
- 1.2. サンプル数量 2群 (4 サンプル/群) 合計 8 サンプル

*サンプル例

A-1 コントロール	B-1 コントロール
A-2 薬剤処理	B-2 薬剤処理
A-3 コントロール (薬剤耐性化)	B-3 コントロール (薬剤耐性化)
A-4 薬剤処理 (薬剤耐性化)	B-4 薬剤処理

- 1.3. サンプル形態 細胞ペレット
- 1.4. サンプルからの RNA 抽出 有
- 1.5. サンプルの品質確認 有

2. RNA-sequence 解析

- 2.1. 使用機器 illumina 社製 NovaSeq6000
- 2.2. シーケンス条件 100bp 以上, Paired read, 4Gb/sample 以上
- 2.3. ソフトウェア 不問

3. データ解析

- 3.1. ソフトウェア 不問
- 3.2. 解析条件
 - ・マッピング (使用するヒト Reference ゲノムは要相談)
 - ・発現解析 (発現値算出、発現比較)
- 3.3. 比較数 4 組
比較例 A-1 : A-3、A-2 : A-4

4. 納品

- 4.1. 納品物
 - ・RNA-seq 解析データ (BAM ファイル)
 - ・データ解析済データ (Excel ファイル等)
- 4.2. 納品形態 ダウンロード
- 4.3. 納品期日 令和 2 年 3 月 19 日